

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234249

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 16/10/2023

Date de réception : 19/10/2023

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 08/02/2022

Sexe : Femelle


Identification génétique par ADN

Date d'exécution : 24/10/2023

Identification : TENNESSEE BAY OF MAINE S FAIRIES/250269590719184 - Code ADN : FC70412									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
150/152	107/107	136/136	197/203	122/130	143/159	214/214	168/168	179/187	136/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
159/163	188/188	126/126	202/202	X/X					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2014. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO	Code ADN : FC70412						
	Nom : TENNESSEE BAY OF MAINE S FAIRIES						
	Identification : 250269590719184						
	Race : MCO:Maine Coon						
	Sexe : Femelle						
	Date de naissance : 08/02/2022						
Genindexe La Génétique à votre service							
FCA026	150/152	FCA069	107/107	FCA075	136/136	FCA105	197/203
FCA149	122/130	FCA201	143/159	FCA220	214/214	FCA229	168/168
FCA293	179/187	FCA310	136/136	FCA441	159/163	FCA453	188/188
FCA649	126/126	FCA678	202/202	ZSRY	X/X		

Fait à Loudéac, le 24/10/2023

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Olivier Yvernoiseau
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234249

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 16/10/2023
Nombre de prélèvements : 3
Espèce : CHAT
Remarques : LOOF2021 8554

Date de réception : 19/10/2023
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : MCO - Maine Coon

Filiation - contrôle de parenté

Date d'exécution : 24/10/2023

Mère(s) présumée(s)	Compatibilité(s)
FC50391 RANEN OF MAINE S FAIRIES 250269590438843 - né(e) le 01/01/19 LOOF2021 8554	...
Père(s) présumé(s)	Compatibilité(s)
FC23111 GOODWIN KENZO BEST 643090000352360 - né(e) le 01/01/2019	...
Produit(s)	Compatibilité(s)
FC70412 TENNESSEE BAY OF MAINE S FAIRIES 250269590719184 - Femelle - né(e) le 08/02/2022	Compatible avec le(s) parent(s) FC50391, FC23111

Règles d'interprétation (protocole de coopération LOOF-GENINDEXE/ méthode interne ANAACR 05):

- Une filiation ne peut être interprétée que lorsque le nombre de marqueurs microsatellites génotypés communs entre le descendant et ses parents est au minimum égal à 8 du core panel.
- Une filiation est incompatible lorsqu'au moins deux marqueurs ne respectent pas les lois de la transmission héréditaire. Première loi : un produit doit avoir reçu un allèle de chacun de ses deux parents. Deuxième loi : un parent doit avoir transmis l'un de ses deux allèles à son produit.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 24/10/2023

Olivier Yvernogeu
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234249

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 16/10/2023
Nombre de prélèvements : 1
Espèce : CHAT
Date de naissance : 08/02/2022

Date de réception : 19/10/2023
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : MCO - Maine Coon
Sexe : Femelle

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 23/10/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC70412 Nom : TENNESSEE BAY OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590719184		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation *c.693+304G>A* présente sur le gène *PKLR* est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 24/10/2023

Olivier Yvernoeau
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234249

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 16/10/2023
Date de réception : 19/10/2023
Nombre de prélèvements : 1
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT
Race : MCO - Maine Coon
Date de naissance : 08/02/2022
Sexe : Femelle

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 23/10/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC70412 Nom : TENNESSEE BAY OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590719184		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 24/10/2023

Olivier Yvernoiseau
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234249

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 16/10/2023

Date de réception : 19/10/2023

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 08/02/2022

Sexe : Femelle

Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Date d'exécution : 23/10/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC70412 Nom : TENNESSEE BAY OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590719184		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation 140kb del (exons 4-6) présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 24/10/2023

Olivier Yvernogean
Technicien service Biologie Moléculaire



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : MAALLOUL Moncef
Elevage : 23554
Demandeur : MAALLOUL Moncef
Organisation : PRO
Préleveur : PASQUET Isabelle (17515)
Référence : EXT20234249

MAALLOUL Moncef
137 rue OBERKAMPF
75011 PARIS

Date de prélèvement : 16/10/2023
Nombre de prélèvements : 1
Espèce : CHAT
Date de naissance : 08/02/2022

Date de réception : 19/10/2023
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Race : MCO - Maine Coon
Sexe : Femelle

GS ADN

Date d'exécution : 23/10/2023

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC70412 Nom : TENNESSEE BAY OF MAINE S FAIRIES Puce : 250269590719184		nonb/nonb

GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN. Mutation recherchée : Déletion -18 pb / Del 53 (5'UTR) d'après Gandolfi et al. Plos One 2016
Résultat nonb/nonb : aucun allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectés = groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

Le test réalisé ne concerne que la mutation recherchée. D'autres mutations du CMAH existent. Le résultat obtenu par ce test ne présage pas des autres résultats pouvant être obtenus sur les autres mutations.

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 24/10/2023

Olivier Yvernogean
Technicien service Biologie Moléculaire

