

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)  
**Référence :** EXT20234336

**MAALLOUL Moncef**  
137 rue OBERKAMPF  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 09/11/2023

**Date de réception :** 16/11/2023

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 12/09/2023

**Sexe :** Femelle

## Identification génétique par ADN

**Date d'exécution :** 16/11/2023

| Identification : UNCHAINED MELODY PP/250269591665173 - Code ADN : FC71012 |         |         |         |         |         |         |         |         |         |
|---------------------------------------------------------------------------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|
| FCA026                                                                    | FCA069  | FCA075  | FCA105  | FCA149  | FCA201  | FCA220  | FCA229  | FCA293  | FCA310  |
| 156/156                                                                   | 93/107  | 136/136 | 199/203 | 122/128 | 151/155 | 214/216 | 168/168 | 179/191 | 136/136 |
| FCA441                                                                    | FCA453  | FCA649  | FCA678  | ZSRY    |         |         |         |         |         |
| 163/163                                                                   | 188/188 | 126/126 | 190/196 | X/X     |         |         |         |         |         |

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2014. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

**Carte d'identité génétique / Genetic identity card**



**PHOTO**

**Code ADN :** FC71012

**Nom :** UNCHAINED MELODY PP

**Identification :** 250269591665173

**Race :** MCO:Maine Coon

**Sexe :** Femelle

**Date de naissance :** 12/09/2023



**Genindexe**  
La Génétique à votre service

|        |         |        |         |        |         |        |         |
|--------|---------|--------|---------|--------|---------|--------|---------|
| FCA026 | 156/156 | FCA069 | 93/107  | FCA075 | 136/136 | FCA105 | 199/203 |
| FCA149 | 122/128 | FCA201 | 151/155 | FCA220 | 214/216 | FCA229 | 168/168 |
| FCA293 | 179/191 | FCA310 | 136/136 | FCA441 | 163/163 | FCA453 | 188/188 |
| FCA649 | 126/126 | FCA678 | 190/196 | ZSRY   | X/X     |        |         |

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 20/11/2023**

Olivier Yvernogean  
Technicien service Biologie Moléculaire



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef  
**Elevage :** 23554  
**Demandeur :** MAALLOUL Moncef  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)  
**Référence :** EXT20234336

**MAALLOUL Moncef**  
137 rue OBERKAMPF  
75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 09/11/2023

**Date de réception :** 16/11/2023

**Nombre de prélèvements :** 3

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

## Filiation - contrôle de parenté

**Date d'exécution :** 20/11/2023

### Mère(s) présumée(s)

### Compatibilité(s)

**FC38020** RUBY RED PP DE MAYCOONFOLIE S  
250269100088803 - né(e) le 19/03/2020

...

### Père(s) présumé(s)

### Compatibilité(s)

**FC52698** SIRIUS DE LAF 137502 250269610110522 - né(e)  
le 10/06/2021  
LOOF 2022.1545

...

### Produit(s)

### Compatibilité(s)

**FC71012** UNCHAINED MELODY PP 250269591665173 -  
Femelle - né(e) le 12/09/2023

**Compatible avec le(s) parent(s) FC38020,  
FC52698**

Règles d'interprétation (protocole de coopération LOOF-GENINDEXE/ méthode interne ANAOCR 05):

- Une filiation ne peut être interprétée que lorsque le nombre de marqueurs microsatellites génotypés communs entre le descendant et ses parents est au minimum égal à 8 du core panel.
- Une filiation est incompatible lorsqu'au moins deux marqueurs ne respectent pas les lois de la transmission héréditaire. Première loi : un produit doit avoir reçu un allèle de chacun de ses deux parents. Deuxième loi : un parent doit avoir transmis l'un de ses deux allèles à son produit.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 20/11/2023**

Olivier Yvernogean  
Technicien service Biologie Moléculaire



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef

**Elevage :** 23554

**Demandeur :** MAALLOUL Moncef

**Organisation :** PRO

**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)

**Référence :** EXT20234336

**MAALLOUL Moncef**

137 rue OBERKAMPF

75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 09/11/2023

**Nombre de prélèvements :** 1

**Espèce :** CHAT

**Date de naissance :** 12/09/2023

**Date de réception :** 16/11/2023

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Race :** MCO - Maine Coon

**Sexe :** Femelle

## Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

**Date d'exécution :** 20/11/2023

| Identification                                                              | Autres informations | Résultat      |
|-----------------------------------------------------------------------------|---------------------|---------------|
| 1 Code ADN : FC71012<br>Nom : UNCHAINED MELODY PP<br>Puce : 250269591665173 |                     | PORTEUR (+/-) |

La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 20/11/2023**

Olivier Yvernogeu

Technicien service Biologie Moléculaire



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef

**Elevage :** 23554

**Demandeur :** MAALLOUL Moncef

**Organisation :** PRO

**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)

**Référence :** EXT20234336

**MAALLOUL Moncef**

137 rue OBERKAMPF

75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 09/11/2023

**Nombre de prélèvements :** 1

**Espèce :** CHAT

**Date de naissance :** 12/09/2023

**Date de réception :** 16/11/2023

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Race :** MCO - Maine Coon

**Sexe :** Femelle

## Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

**Date d'exécution :** 20/11/2023

| Identification                                                              | Autres informations | Résultat     |
|-----------------------------------------------------------------------------|---------------------|--------------|
| 1 Code ADN : FC71012<br>Nom : UNCHAINED MELODY PP<br>Puce : 250269591665173 |                     | NORMAL (+/+) |

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

**Fait à Loudéac, le 20/11/2023**

Olivier Yvernogeu

Technicien service Biologie Moléculaire



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef

**Elevage :** 23554

**Demandeur :** MAALLOUL Moncef

**Organisation :** PRO

**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)

**Référence :** EXT20234336

**MAALLOUL Moncef**

137 rue OBERKAMPF

75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 09/11/2023

**Nombre de prélèvements :** 1

**Espèce :** CHAT

**Date de naissance :** 12/09/2023

**Date de réception :** 16/11/2023

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Race :** MCO - Maine Coon

**Sexe :** Femelle

## Spinal Muscular Atrophy (SMA)

**Date d'exécution :** 20/11/2023

| Identification                                                              | Autres informations | Résultat     |
|-----------------------------------------------------------------------------|---------------------|--------------|
| 1 Code ADN : FC71012<br>Nom : UNCHAINED MELODY PP<br>Puce : 250269591665173 |                     | NORMAL (+/+) |

La présence de la mutation 140kb del (exons 4-6) présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

**Fait à Loudéac, le 20/11/2023**

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** MAALLOUL Moncef

**Elevage :** 23554

**Demandeur :** MAALLOUL Moncef

**Organisation :** PRO

**Préleveur :** PASQUET Isabelle (17515)

**Référence :** EXT20234336

**MAALLOUL Moncef**

137 rue OBERKAMPF

75011 PARIS

**Date de prélèvement :** 09/11/2023

**Nombre de prélèvements :** 1

**Espèce :** CHAT

**Date de naissance :** 12/09/2023

**Date de réception :** 16/11/2023

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Race :** MCO - Maine Coon

**Sexe :** Femelle

## GS ADN

**Date d'exécution :** 20/11/2023

| Identification                                                              | Autres informations | Résultat  |
|-----------------------------------------------------------------------------|---------------------|-----------|
| 1 Code ADN : FC71012<br>Nom : UNCHAINED MELODY PP<br>Puce : 250269591665173 |                     | nonb/nonb |

GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN. Mutation recherchée : Délétion -18 pb / Del 53 (5'UTR) d'après Gandolfi et al. Plos One 2016

Résultat nonb/nonb : aucun allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectés = groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

Le test réalisé ne concerne que la mutation recherchée. D'autres mutations du CMAH existent. Le résultat obtenu par ce test ne présage pas des autres résultats pouvant être obtenus sur les autres mutations.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 20/11/2023**

Olivier Yvernogeu

Technicien service Biologie Moléculaire

